

#Contrôle de la semence

```
runif(2)
```

#Avec semence

```
set.seed(23476)  
runif(2)  
runif(2)  
set.seed(23476)  
runif(2)
```

#Randomisation simple avec allocation 1:1

```
# Design parallèle, 2 traitements, allocation 1:1, n=100 patients  
# Similaire à une allocation avec pièce de monnaie: pile ou face
```

```
set.seed(948)  
marando <- sample(c("placebo","expérimental"), 100, replace=TRUE)  
table(marando)  
matrix(marando[1:5])
```

#Randomisation simple avec allocation 1:2

```
# Design parallèle, 2 traitements, allocation 1:2, n=100 patients  
# Allocation 1:2 (1 placebo pour 2 traitements expérimentaux)
```

```
set.seed(25257)  
marando <- sample(c("placebo","expérimental"), 100, replace=TRUE,  
prob=c(1/3,2/3))  
table(marando)  
matrix(marando[1:5])
```

#Randomisation simple avec 3 traitements et allocation 1:2:2

```
# Design parallèle, 3 traitements, allocation 1:2:2, n=100 patients  
# Allocation 1:2:2 (1 placebo, 2 exp A, 2 exp B)
```

```
set.seed(7481)  
marando <- sample(c("placebo","exp A", "exp B"), 100, replace=TRUE,  
prob=c(1/5,2/5,2/5))  
table(marando)  
matrix(marando[1:10])
```

#Randomisation simple avec allocation 1:1 avec bloc

Design parallèle, 2 traitements, allocation 1:1, n=100 patients, 1 centre
Avec bloc de taille 10

```
library(blockrand)
set.seed(63892)
marando1 <- blockrand(100, stratum="Clinique
#1", levels=c("placebo", "expérimental"), block.sizes=5)
table(marando1$treatment)
marando1[1:10,]
```

#Randomisation stratifiée par centre (2 centres), allocation 1:1, avec bloc de taille fixe (10)

Design parallèle, 2 traitements, allocation 1:1, 2 centres, n=50 patients par centre
Avec bloc de taille 10

```
set.seed(38742)
rand_centre1 <- blockrand(50, stratum="Clinique
#1", levels=c("placebo", "expérimental"), block.sizes=5)
```

```
set.seed(8437)
rand_centre2 <- blockrand(50, stratum="Clinique
#2", levels=c("placebo", "expérimental"), block.sizes=5)
```

```
table(rand_centre1$treatment)
```

```
table(rand_centre2$treatment)
rand_centre1[1:5,]
rand_centre2[1:5,]
```

#Randomisation avec allocation 1:1 et taille des blocs permutée (taille des blocs: 4 et 8)

Design parallèle, 2 traitements, allocation 1:1, 1 centre, n=100 patients
Avec bloc de taille 4 ou 8

```
set.seed(39499)
rand_centre1 <- blockrand(100, stratum="Clinique
#1", levels=c("placebo", "expérimental"), block.sizes=c(2,4))
table(rand_centre1$treatment)
```

```
rand_centre1[1:10,]
```

```
#Randomisation stratifiée pour ECR avec 3 traitements, allocation 1:2:2, taille des blocs permutée, et 1 centre
```

```
# Design parallèle, 3 traitements, allocation 1:2:2, 1 centre, n=100 patients  
# Avec bloc de taille 5 ou 10
```

```
set.seed(72111)  
rand_centre1 <- blockrand(100, stratum="Clinique #1", levels=c("Placebo", "Exp  
A", "Exp A", "Exp B", "Exp B"), block.size=1:2)  
table(rand_centre1$treatment)  
rand_centre1[1:10,]
```

```
#Randomisation ECR OUCH
```

```
set.seed(93753)  
rand.chustj.vas3069 <- blockrand(400, stratum="CHUSTJ-OUCH-VAS3069",  
levels=c("Ibuprofen 10mg/kg + Placebo", "Morphine 0.2mg/kg +  
Placebo", "Morphine 0.2mg/kg + Placebo", "Morphine 0.2mg/kg + Ibuprofen 10mg/  
kg", "Morphine 0.2mg/kg + Ibuprofen 10mg/kg"), block.size=1:2)  
table(rand.chustj.vas3069$treatment)  
rand.chustj.vas3069[1:9,]
```

```
#Exportation des listes
```

```
write.csv(rand.chustj.vas3069, file="capsule_R_Rando.csv")
```